

Cotation Activité pour analyses génétiques

Actes		Cotation		Coef/BHN
Extraction / Enregistrement/Culot cellulaire/Liquidithèque		Non coté	Non coté	
Prélèvement en attente		Non coté	Non coté	
CAS INDEX				
NGS: Cocher la case « forfait » correspondant à la taille du panel réalisé (Taille: exons +/- 25 Nt)				
N350	Forfait (NGS) < 20 kb BHN 3270 832,90 € Comprend: • accueil cas index (BHN 370) / le forfait analytique NGS < 20 kb (BHN 2000) / le forfait "interprétation" (BHN 400)			3270
N351	Forfait (NGS) > 20 kb et < 100 kb BHN 5570 1 503,90 € Comprend: • "accueil cas index" (BHN 370) + le forfait analytique > 20 kb et < 100 kb (BHN 4000) + le forfait "interprétation" (BHN 1200)			5570
N352	Forfait (NGS) > 100 kb et < 500 kb BHN 8170 2 205,90 € Comprend: • "accueil cas index" (BHN 370) + le forfait analytique > 100 kb et < 500 kb (BHN 6000) + le forfait "interprétation" (BHN 1800)			8170
- Sanger screening 1 gène - Sanger Screening 2 gènes - Sanger 1 gène puis panel incluant le gène - Sanger 1 gène puis panel niv 1 puis panel niv 2 - Panel Multi-pathologies, Multi- phénotypes ou Multi-Niveaux d'analyse - NGS Multiplicom puis MLPA - MLPA ou qPCR - Séquençage ARNm ciblé [conséquences d'une mutation génique] - PCR Longue - Expansion de triplets * Diagnostic par southern blot - Sanger à partir d'ARNm (screening)		- N906: 1 Acte / Amplicon (Max 5 Actes par gène) - N906 – (Max 5 Actes pour les 2 gènes) - Compter le Panel - Compter le panel niveau 1 + panel niveau 2 (en retranchant la taille des gènes présents dans le panel niveau1) - Ne compter qu'un seul forfait (le plus large) même si plusieurs analyses d'interprétation (se référer aux arbres décisionnels) - Panel + N318 - N318 (ne pas coter si vérification post NGS) - N315 - N318 X 1 - N354 X 1 - N037 - N906: 1 Acte / Amplicon (Max 5 Actes par gène)		570 570 NPanel NPanel Npanel + 870 870 500 870 510 BHN 830 570
APPARENTES : Recherche Ciblée ou prélèvement de contrôle du cas index - Maladie Dominante (1 mutation) - Maladie Récessive ou composite ou digénisme - Deux Mutations (même amplicon) ou Homozygotes : - Deux Mutations dans des gènes et/ou amplicons différent 1 mutation en Sanger + 1 mutation en MLPA 2 mutations recherchées par MLPA - même kit pour les deux mutations : - Deux Kits MLPA différents :		N353 N353 N318 + N906 N318 X 1 N318 X 2 (RARISSIME)		720 720 720 870 + 720 870 870 x 2
Tests fonctionnels (dont l'analyse des variants d'épissage par minigènes)		N314		3000